

Gene	dbSNP	Alelo 1	Alelo 2*	Frequência do alelo 2			
				Pretos	Pardos	Brancos	Total**
ABCB1	rs10276036	T	C	0,326	0,306	0,399	0,359
ABCB1	rs1045642	A	G	0,714	0,667	0,545	0,602
ABCB1	rs1128501	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs1128502	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs1128503	G	A	0,298	0,300	0,393	0,352
ABCB1	rs1202183	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs17064	T	A	0,140	0,073	0,039	0,060
ABCB1	rs2032581	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs2032588	G	A	0,152	0,061	0,039	0,056
ABCB1	rs2214102	C	T	0,022	0,039	0,063	0,051
ABCB1	rs2229107	A	T	0,045	0,033	0,011	0,022
ABCB1	rs2229109	C	T	0,006	0,033	0,034	0,031
ABCB1	rs2235012	C	G	0,006	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs2235013	T	C	0,523	0,393	0,449	0,435
ABCB1	rs2235033	G	A	0,517	0,394	0,449	0,435
ABCB1	rs2235036	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs2235039	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs2235040	C	T	0,135	0,200	0,163	0,174
ABCB1	rs2235044	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs2235051	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs2707943	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs2707944	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs28381804	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs28381867	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs28381902	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs28381914	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs28381915	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs28381966	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs28381967	T	C	0,006	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs28401798	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs3213619	A	G	0,075	0,017	0,057	0,044
ABCB1	rs3842	T	C	0,152	0,094	0,112	0,109
ABCB1	rs72552784	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB1	rs9282563	G	A	0,006	0,006	0,006	0,006
ABCB1	rs9282564	T	C	0,034	0,033	0,067	0,052
ABCB1	rs9282565	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs11568373	T	C	0,051	0,006	0,000	0,006
ABCB11	rs1521808	C	T	0,011	0,006	0,000	0,003
ABCB11	rs2287616	A	G	0,006	0,022	0,011	0,015
ABCB11	rs2287617	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs2287622	G	A	0,466	0,456	0,433	0,444
ABCB11	rs3732038	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs3755162	G	T	0,068	0,006	0,028	0,023
ABCB11	rs3770602	G	A	0,225	0,383	0,332	0,342
ABCB11	rs3815675	A	G	0,006	0,022	0,011	0,015
ABCB11	rs4148768	G	A	0,051	0,073	0,119	0,097
ABCB11	rs4148770	A	G	0,118	0,078	0,056	0,069
ABCB11	rs4148776	A	G	0,239	0,067	0,084	0,090
ABCB11	rs4148777	A	G	0,073	0,006	0,029	0,024
ABCB11	rs4668115	C	T	0,216	0,361	0,292	0,311
ABCB11	rs473351	C	T	0,343	0,416	0,489	0,451
ABCB11	rs495714	T	C	0,648	0,528	0,534	0,541
ABCB11	rs496550	C	T	0,652	0,528	0,534	0,541
ABCB11	rs497692	C	T	0,663	0,550	0,539	0,553

ABCB11	rs72549394	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs72549395	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs72549396	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs72549397	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs72549399	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs72549401	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs72549402	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs72551306	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB11	rs7563233	T	C	0,253	0,078	0,062	0,083
ABCB11	rs7578587	T	C	0,114	0,033	0,028	0,037
ABCB4	rs1202283	A	G	0,736	0,611	0,551	0,587
ABCB4	rs2109505	T	A	0,281	0,172	0,182	0,186
ABCB4	rs2302387	G	A	0,309	0,191	0,176	0,192
ABCB4	rs31655	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs3747806	A	G	0,163	0,100	0,067	0,087
ABCB4	rs3761810	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs4148806	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs4148808	T	C	0,222	0,152	0,140	0,151
ABCB4	rs45483595	G	C	0,006	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs45505600	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs45508793	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs45524431	C	G	0,022	0,022	0,006	0,013
ABCB4	rs45549036	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs45574932	T	C	0,011	0,000	0,011	0,007
ABCB4	rs45592837	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs45595532	C	T	0,057	0,033	0,011	0,023
ABCB4	rs45596335	G	C	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs72552774	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs72552775	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs72552780	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCB4	rs8187789	G	A	0,023	0,028	0,000	0,012
ABCB4	rs8187799	T	C	0,247	0,214	0,112	0,160
ABCC1	rs212090	T	A	0,303	0,383	0,408	0,391
ABCC1	rs212091	T	C	0,112	0,156	0,129	0,137
ABCC1	rs2301666	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC1	rs246221	T	C	0,545	0,417	0,371	0,401
ABCC1	rs4148356	G	A	0,011	0,011	0,028	0,021
ABCC1	rs4148377	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC1	rs4148380	G	A	0,039	0,044	0,039	0,041
ABCC1	rs45500201	C	T	0,011	0,000	0,000	0,001
ABCC1	rs45551631	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
ABCC1	rs45585132	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC1	rs45611740	C	T	0,012	0,000	0,000	0,001
ABCC1	rs60782127	G	T	0,006	0,006	0,000	0,002
ABCC1	rs8056298	G	T	0,045	0,039	0,011	0,024
ABCC1	rs8057331	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC1	rs8187853	G	A	0,068	0,023	0,022	0,026
ABCC1	rs8187858	C	T	0,011	0,072	0,084	0,074
ABCC1	rs8187863	C	T	0,017	0,006	0,006	0,007
ABCC2	rs1137968	G	T	0,063	0,061	0,067	0,065
ABCC2	rs17216156	G	A	0,000	0,000	0,006	0,003
ABCC2	rs17216198	C	T	0,011	0,011	0,006	0,008
ABCC2	rs17216317	C	T	0,011	0,011	0,011	0,011
ABCC2	rs17222547	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs17222674	A	G	0,000	0,006	0,000	0,002
ABCC2	rs17222723	T	A	0,056	0,061	0,067	0,064

ABCC2	rs2273697	G	A	0,230	0,222	0,225	0,224
ABCC2	rs3740066	C	T	0,281	0,278	0,376	0,333
ABCC2	rs3740070	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs3740071	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs3740072	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs4148400	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs4148401	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs45441199	T	C	0,000	0,000	0,011	0,006
ABCC2	rs45441800	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs45462493	A	C	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs45466599	T	C	0,006	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs45477091	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs45483699	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs45494393	T	G	0,000	0,006	0,017	0,011
ABCC2	rs45502496	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs45518933	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs45531035	C	T	0,022	0,022	0,006	0,013
ABCC2	rs45592535	A	G	0,000	0,000	0,006	0,003
ABCC2	rs45622934	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs56199535	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs56220353	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs66898362	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs7080681	G	A	0,051	0,022	0,011	0,018
ABCC2	rs717620	C	T	0,112	0,111	0,152	0,134
ABCC2	rs72558199	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs72558201	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs7899457	C	T	0,034	0,017	0,023	0,021
ABCC2	rs8187692	G	T	0,062	0,006	0,028	0,023
ABCC2	rs8187699	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs8187706	G	A	0,045	0,017	0,022	0,022
ABCC2	rs8187707	C	T	0,039	0,061	0,067	0,063
ABCC2	rs8187709	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC2	rs8187710	G	A	0,102	0,079	0,092	0,088
ABCC2	rs927344	T	A	0,006	0,006	0,000	0,002
ABCC3	rs1003355	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC3	rs1051625	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC3	rs1051640	A	G	0,140	0,152	0,188	0,171
ABCC3	rs11568591	G	A	0,022	0,033	0,040	0,036
ABCC3	rs2277624	C	T	0,328	0,239	0,264	0,260
ABCC3	rs4148416	C	T	0,129	0,067	0,073	0,075
ABCC4	rs1059751	A	G	0,341	0,400	0,365	0,376
ABCC4	rs1059754	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC4	rs1189466	G	A	0,062	0,089	0,051	0,065
ABCC4	rs1678339	C	T	0,084	0,094	0,073	0,082
ABCC4	rs2274405	C	T	0,348	0,322	0,416	0,377
ABCC4	rs2274406	C	T	0,511	0,389	0,466	0,442
ABCC4	rs2274407	C	A	0,129	0,117	0,056	0,084
ABCC4	rs3742106	A	C	0,382	0,371	0,461	0,422
ABCC4	rs3765534	C	T	0,000	0,006	0,006	0,005
ABCC4	rs4148460	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC4	rs4148551	T	C	0,534	0,411	0,589	0,520
ABCC4	rs4148553	C	T	0,337	0,400	0,365	0,376
ABCC4	rs4148554	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC4	rs4148555	T	A	0,000	0,006	0,000	0,002
ABCC5	rs1053351	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC5	rs1053386	G	A	0,148	0,107	0,045	0,075

ABCC5	rs1053387	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC5	rs3749442	G	A	0,191	0,189	0,219	0,206
ABCC5	rs3805114	T	G	0,087	0,050	0,093	0,077
ABCC5	rs562	C	T	0,371	0,472	0,506	0,483
ABCC5	rs7636910	T	C	0,360	0,300	0,309	0,310
ABCC5	rs939336	G	A	0,281	0,389	0,405	0,389
ABCC6	rs2238472	C	T	0,176	0,206	0,227	0,215
ABCC6	rs2856585	G	A	0,135	0,061	0,097	0,087
ABCC6	rs4341770	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC6	rs6416668	C	T	0,073	0,044	0,006	0,025
ABCC6	rs7500834	C	T	0,069	0,039	0,006	0,023
ABCC6	rs8058694	T	G	0,625	0,584	0,605	0,599
ABCC6	rs8058696	C	G	0,629	0,591	0,593	0,595
ABCC8	rs67706538	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC8	rs72559722	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC8	rs72559730	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC8	rs757110	A	C	0,114	0,313	0,352	0,319
ABCC8	rs8192690	C	T	0,023	0,023	0,063	0,046
ABCC9	rs10770865	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
ABCC9	rs17846788	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC9	rs58386780	G	A	0,023	0,000	0,000	0,002
ABCC9	rs61001398	G	A	0,011	0,011	0,006	0,008
ABCC9	rs72559751	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCC9	rs72559752	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCG1	rs1044317	G	A	0,399	0,422	0,386	0,400
ABCG1	rs1541290	G	A	0,358	0,367	0,517	0,450
ABCG1	rs3788007	G	A	0,167	0,221	0,239	0,226
ABCG1	rs3788010	A	G	0,602	0,562	0,443	0,499
ABCG1	rs425215	G	C	0,388	0,361	0,365	0,366
ABCG1	rs492338	G	A	0,433	0,383	0,433	0,415
ABCG1	rs914189	C	G	0,256	0,256	0,233	0,243
ABCG2	rs1061017	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCG2	rs1061018	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCG2	rs2231139	G	A	0,045	0,011	0,011	0,014
ABCG2	rs2231142	G	T	0,107	0,128	0,101	0,111
ABCG2	rs3116439	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCG2	rs3116448	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCG2	rs3201997	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABCG2	rs72552713	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
ABP1	rs1049793	C	G	0,433	0,339	0,326	0,339
ABP1	rs10893	A	G	0,433	0,350	0,326	0,343
ABP1	rs12539	C	T	0,224	0,202	0,230	0,219
ABP1	rs17173645	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABP1	rs4725373	G	A	0,438	0,339	0,330	0,342
ABP1	rs6943147	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ABP1	rs6943420	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH1A	rs12512110	G	T	0,119	0,156	0,125	0,136
ADH1A	rs1826909	C	T	0,208	0,217	0,326	0,277
ADH1A	rs28364341	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH1A	rs3805324	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH1A	rs6811453	G	A	0,169	0,225	0,337	0,283
ADH1A	rs6828526	G	A	0,017	0,000	0,000	0,001
ADH1A	rs7684674	A	C	0,163	0,094	0,017	0,057
ADH1B	rs1041969	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH1B	rs1126441	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH1B	rs1229983	T	C	0,034	0,044	0,011	0,025

ADH1B	rs1229984	C	T	0,045	0,062	0,073	0,067
ADH1B	rs6413413	T	A	0,006	0,006	0,006	0,006
ADH1C	rs1789915	A	G	0,153	0,150	0,247	0,205
ADH1C	rs283413	C	A	0,011	0,028	0,034	0,030
ADH1C	rs35385902	C	T	0,006	0,011	0,006	0,008
ADH1C	rs72552717	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH4	rs1126670	A	C	0,202	0,244	0,264	0,252
ADH4	rs1126671	C	T	0,202	0,244	0,264	0,252
ADH4	rs1126672	G	A	0,135	0,161	0,247	0,207
ADH4	rs2032349	G	A	0,067	0,083	0,017	0,045
ADH4	rs28987087	C	T	0,017	0,006	0,000	0,003
ADH4	rs3762894	T	C	0,197	0,167	0,210	0,193
ADH5	rs1050637	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH5	rs1154400	T	C	0,320	0,317	0,281	0,297
ADH5	rs17216887	C	G	0,000	0,011	0,039	0,026
ADH5	rs2602836	G	A	0,607	0,561	0,466	0,512
ADH5	rs7687322	G	A	0,208	0,161	0,039	0,097
ADH6	rs10002894	A	G	0,191	0,218	0,202	0,207
ADH6	rs10008281	C	A	0,244	0,239	0,298	0,272
ADH6	rs4147546	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH6	rs4699735	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH6	rs6830685	A	G	0,159	0,208	0,193	0,196
ADH6	rs6843298	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH7	rs1042111	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH7	rs1442477	C	T	0,191	0,100	0,045	0,077
ADH7	rs1573496	C	G	0,062	0,056	0,028	0,041
ADH7	rs284797	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ADH7	rs971074	C	T	0,163	0,100	0,045	0,074
AHR	rs10249788	C	T	0,332	0,261	0,208	0,237
AHR	rs1803079	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
AHR	rs1803080	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
AHR	rs2066853	G	A	0,360	0,236	0,163	0,205
AKAP9	rs2049900	C	G	0,096	0,139	0,129	0,130
ALB	rs1063469	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALB	rs1140449	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALB	rs11538214	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALB	rs11538231	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALB	rs17854155	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALB	rs3756067	G	A	0,316	0,317	0,244	0,276
ALB	rs72552711	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH1A1	rs1049981	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH1A1	rs1063447	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH1A1	rs13959	A	G	0,629	0,584	0,590	0,591
ALDH1A1	rs8187929	T	A	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH2	rs1062136	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH2	rs1064933	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH2	rs13306164	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH2	rs58280059	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH2	rs671	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH2	rs886205	A	G	0,500	0,354	0,242	0,303
ALDH3A1	rs57633837	C	T	0,028	0,022	0,000	0,010
ALDH3A1	rs60739355	T	A	0,011	0,011	0,017	0,014
ALDH3A1	rs887241	C	A	0,332	0,300	0,320	0,314
ALDH3A2	rs72547554	C	T	0,006	0,000	0,006	0,004
ALDH3A2	rs72547557	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH3A2	rs72547561	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000

ALDH3A2	rs72547562	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH3A2	rs72547566	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH3A2	rs72547568	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ALDH3A2	rs72547577	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
AOX1	rs11678615	C	T	0,163	0,100	0,045	0,074
AOX1	rs11684227	G	A	0,506	0,465	0,402	0,433
AOX1	rs16834027	G	A	0,079	0,056	0,090	0,077
AOX1	rs16834034	T	G	0,125	0,078	0,101	0,095
AOX1	rs3731722	A	G	0,096	0,079	0,039	0,058
AOX1	rs6729738	T	C	0,371	0,461	0,494	0,472
AOX1	rs7563682	T	C	0,393	0,444	0,348	0,386
ARNT	rs10305649	C	A	0,011	0,011	0,039	0,027
ARNT	rs10305678	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
ARNT	rs17855058	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ARNT	rs17855059	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ARNT	rs2228099	C	G	0,494	0,455	0,398	0,426
ARNT	rs2229175	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ARNT	rs72549317	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ARSA	rs28940894	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ARSA	rs6151411	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ARSA	rs6151422	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ARSA	rs743616	C	G	0,562	0,600	0,601	0,598
ATP7B	rs1051332	C	T	0,281	0,344	0,421	0,382
ATP7B	rs1061472	T	C	0,567	0,528	0,567	0,553
ATP7B	rs1801243	A	C	0,292	0,372	0,455	0,412
ATP7B	rs1801244	C	G	0,332	0,389	0,449	0,418
ATP7B	rs1801246	C	T	0,000	0,044	0,062	0,051
ATP7B	rs1801249	G	A	0,376	0,422	0,421	0,418
ATP7B	rs2277447	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ATP7B	rs2277448	T	G	0,539	0,450	0,410	0,435
ATP7B	rs732774	T	C	0,393	0,433	0,421	0,423
CBR1	rs1005695	C	G	0,332	0,433	0,426	0,421
CBR1	rs2835265	C	T	0,051	0,111	0,124	0,113
CBR1	rs3787728	C	T	0,167	0,287	0,267	0,266
CBR1	rs998383	C	G	0,324	0,347	0,335	0,338
CBR3	rs1056892	G	A	0,444	0,361	0,354	0,364
CBR3	rs16993929	C	T	0,096	0,056	0,022	0,040
CBR3	rs2835285	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CBR3	rs2835286	G	A	0,174	0,186	0,180	0,182
CDA	rs1048977	C	T	0,369	0,315	0,238	0,276
CDA	rs10916824	T	C	0,023	0,034	0,056	0,046
CDA	rs2072671	A	C	0,202	0,250	0,351	0,302
CDA	rs602946	G	A	0,000	0,000	0,011	0,006
CDA	rs60369023	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
CDA	rs818202	G	A	0,539	0,483	0,399	0,441
CES2	rs11568311	G	A	0,079	0,072	0,067	0,070
CES2	rs11568314	A	T	0,017	0,011	0,045	0,030
CES2	rs3893757	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CES2	rs4783745	A	G	0,376	0,317	0,225	0,270
CES2	rs72547531	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CES2	rs72547532	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CES2	rs72547533	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CGT_HUMAN	rs11098261	G	A	0,051	0,022	0,006	0,015
CHST1	rs2028985	C	T	0,146	0,050	0,051	0,058
CHST1	rs7129157	C	A	0,039	0,011	0,011	0,014
CHST1	rs750397	A	G	0,062	0,028	0,000	0,015

CHST1	rs750398	C	G	0,438	0,372	0,398	0,392
CHST1	rs895729	G	A	0,443	0,372	0,401	0,394
CHST1	rs9787901	G	A	0,355	0,216	0,146	0,188
CHST10	rs1057055	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST10	rs1057056	C	T	0,292	0,156	0,045	0,105
CHST10	rs1465829	G	A	0,000	0,011	0,000	0,004
CHST10	rs1530031	T	C	0,629	0,539	0,365	0,449
CHST10	rs3748930	G	C	0,615	0,534	0,386	0,458
CHST10	rs3748931	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST10	rs3748932	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST10	rs3748933	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST10	rs3748934	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST10	rs3828193	G	T	0,188	0,320	0,315	0,306
CHST10	rs4149520	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST10	rs4149521	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST10	rs4149522	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST11	rs1048662	A	G	0,157	0,067	0,039	0,059
CHST11	rs1565814	A	G	0,045	0,017	0,017	0,019
CHST11	rs2463018	C	T	0,202	0,328	0,281	0,292
CHST11	rs2463437	A	G	0,343	0,406	0,309	0,347
CHST11	rs2468110	G	A	0,348	0,400	0,320	0,351
CHST11	rs7847	T	C	0,214	0,339	0,281	0,296
CHST11	rs903247	T	C	0,416	0,422	0,326	0,368
CHST13	rs1054097	G	C	0,084	0,078	0,062	0,069
CHST13	rs1056522	G	A	0,388	0,339	0,273	0,306
CHST13	rs3856650	T	A	0,584	0,533	0,410	0,469
CHST13	rs6783962	T	G	0,568	0,472	0,368	0,422
CHST2	rs1473870	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST2	rs3755739	G	A	0,540	0,356	0,332	0,357
CHST2	rs6664	C	T	0,528	0,330	0,352	0,358
CHST3	rs1871450	A	G	0,659	0,624	0,540	0,580
CHST3	rs4148942	C	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST3	rs4148943	T	C	0,597	0,567	0,523	0,545
CHST3	rs4148944	G	A	0,230	0,178	0,129	0,155
CHST3	rs4148945	T	C	0,742	0,650	0,567	0,611
CHST3	rs4148946	T	C	0,320	0,360	0,393	0,375
CHST3	rs4148949	C	T	0,275	0,361	0,375	0,362
CHST3	rs4148950	A	G	0,661	0,626	0,540	0,581
CHST3	rs4148951	G	A	0,067	0,056	0,022	0,038
CHST3	rs4148953	G	A	0,112	0,039	0,017	0,032
CHST3	rs7072219	A	C	0,067	0,051	0,023	0,037
CHST3	rs730720	T	C	0,590	0,572	0,523	0,546
CHST3	rs731027	C	T	0,605	0,568	0,523	0,546
CHST4	rs3813744	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST4	rs72547534	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST5	rs2550915	C	G	0,073	0,078	0,017	0,043
CHST5	rs2641806	A	G	0,640	0,550	0,416	0,482
CHST5	rs2738792	G	A	0,337	0,298	0,214	0,254
CHST5	rs2937026	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST5	rs2937027	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST5	rs383400	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST6	rs68043642	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST6	rs72547547	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST6	rs72547550	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST8	rs3810364	C	T	0,000	0,006	0,006	0,005
CHST8	rs72547580	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000

CHST9	rs1155514	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST9	rs17694469	C	T	0,006	0,044	0,039	0,038
CHST9	rs28693844	G	A	0,017	0,000	0,006	0,004
CHST9	rs417808	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CHST9	rs418546	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
COMT	rs4633	T	C	0,674	0,573	0,579	0,584
COMT	rs5031015	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
COMT	rs769224	G	A	0,051	0,023	0,028	0,028
COMT	rs8192488	C	T	0,051	0,011	0,006	0,011
CROT	rs2097937	A	G	0,382	0,333	0,230	0,280
CROT	rs31651	G	A	0,131	0,152	0,097	0,119
CROT	rs31652	A	G	0,163	0,167	0,129	0,145
CROT	rs3827653	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
CROT	rs7785206	G	C	0,096	0,083	0,073	0,079
CYP11A1	rs1049968	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11A1	rs1130841	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11A1	rs4986873	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11A1	rs57982762	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11A1	rs58174009	C	T	0,006	0,000	0,006	0,004
CYP11A1	rs6160	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11A1	rs72547508	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs1134095	A	G	0,432	0,383	0,421	0,408
CYP11B1	rs1137484	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs1137486	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs1137487	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs4534	C	T	0,023	0,039	0,034	0,035
CYP11B1	rs4736312	C	A	0,421	0,383	0,421	0,408
CYP11B1	rs4998899	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs5017237	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs5017239	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs5027480	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs5282	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs5292	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs5297	A	G	0,151	0,140	0,126	0,133
CYP11B1	rs5298	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs5300	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs5302	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs5303	G	A	0,292	0,339	0,410	0,375
CYP11B1	rs6405	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP11B1	rs7003319	C	T	0,421	0,383	0,421	0,408
CYP11B2	rs4536	T	C	0,051	0,045	0,034	0,040
CYP11B2	rs4543	C	T	0,148	0,156	0,119	0,135
CYP11B2	rs4544	A	G	0,253	0,119	0,029	0,080
CYP11B2	rs5315	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP17A1	rs1042386	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP17A1	rs6162	G	A	0,352	0,438	0,382	0,400
CYP17A1	rs6163	C	A	0,360	0,439	0,376	0,398
CYP17A1	rs6164	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP17A1	rs743572	A	G	0,352	0,449	0,376	0,401
CYP17A1	rs762563	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP19A1	rs10046	A	G	0,744	0,579	0,517	0,558
CYP19A1	rs1050677	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP19A1	rs1050760	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP19A1	rs1050787	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP19A1	rs1062033	C	G	0,146	0,344	0,382	0,350
CYP19A1	rs2236722	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000

CYP19A1	rs2304461	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP19A1	rs2304462	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP19A1	rs4646	C	A	0,332	0,328	0,324	0,326
CYP19A1	rs700518	C	T	0,784	0,607	0,573	0,602
CYP19A1	rs700519	G	A	0,096	0,072	0,034	0,053
CYP1A1	rs1048943	T	C	0,079	0,128	0,096	0,106
CYP1A1	rs1799814	G	T	0,006	0,039	0,056	0,046
CYP1A1	rs1800031	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A1	rs2278970	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A1	rs2856833	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A1	rs34260157	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A1	rs4646422	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A1	rs4987133	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A1	rs56240201	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A1	rs56313657	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A1	rs72547509	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs12720461	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs2069514	G	A	0,213	0,194	0,096	0,141
CYP1A2	rs2069526	T	G	0,129	0,028	0,039	0,042
CYP1A2	rs2470890	T	C	0,790	0,611	0,545	0,588
CYP1A2	rs28399424	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs55889066	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs56107638	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs56160784	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs56276455	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs72547511	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs72547513	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs72547514	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs72547515	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs72547516	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs72547517	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1A2	rs762551	A	C	0,360	0,317	0,371	0,350
CYP1B1	rs1056836	G	C	0,579	0,539	0,421	0,476
CYP1B1	rs28936700	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1B1	rs28936701	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1B1	rs4398252	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1B1	rs4986888	G	C	0,034	0,022	0,006	0,014
CYP1B1	rs4987135	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1B1	rs55771538	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1B1	rs55989760	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1B1	rs56010818	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1B1	rs56175199	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1B1	rs56305281	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP1B1	rs72549381	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP20A1	rs1048013	T	C	0,691	0,617	0,433	0,520
CYP20A1	rs13397243	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP20A1	rs17851797	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP20A1	rs2043449	T	C	0,159	0,107	0,056	0,083
CYP20A1	rs60606072	C	T	0,119	0,034	0,017	0,031
CYP21A2	rs72552756	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP21A2	rs72552757	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP21A2	rs72552758	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP24A1	rs2296241	G	A	0,489	0,483	0,500	0,493
CYP24A1	rs2762934	G	A	0,219	0,194	0,197	0,198
CYP24A1	rs3171182	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP24A1	rs6068811	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000

CYP24A1	rs6068812	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP24A1	rs6068816	C	T	0,056	0,100	0,101	0,097
CYP26A1	rs10882140	G	T	0,562	0,633	0,590	0,603
CYP26A1	rs11187270	C	T	0,039	0,033	0,006	0,018
CYP26A1	rs2229104	C	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP26A1	rs4418728	G	T	0,292	0,444	0,460	0,441
CYP26A1	rs7905939	G	A	0,364	0,296	0,233	0,266
CYP27A1	rs2229381	C	T	0,011	0,000	0,006	0,004
CYP27A1	rs59443548	C	T	0,023	0,011	0,000	0,006
CYP27A1	rs61733615	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP27A1	rs72551314	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP27A1	rs72551315	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP27B1	rs13377933	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP27B1	rs2229103	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP27B1	rs28934606	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP27B1	rs8176344	C	G	0,000	0,006	0,000	0,002
CYP27B1	rs8176349	C	T	0,000	0,006	0,000	0,002
CYP27B1	rs8176350	C	T	0,000	0,006	0,000	0,002
CYP27B1	rs8176351	C	T	0,017	0,028	0,006	0,015
CYP2A13	rs1645691	C	T	0,118	0,056	0,039	0,051
CYP2A13	rs1645694	C	T	0,239	0,106	0,079	0,101
CYP2A13	rs1709082	T	G	0,284	0,163	0,191	0,188
CYP2A13	rs3885816	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A6	rs1137115	C	T	0,287	0,217	0,242	0,236
CYP2A6	rs1801272	A	T	0,000	0,017	0,028	0,022
CYP2A6	rs2644905	T	C	0,011	0,011	0,028	0,021
CYP2A6	rs28399433	A	C	0,090	0,091	0,067	0,078
CYP2A6	rs28399434	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A6	rs28399447	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A6	rs28399454	C	T	0,057	0,029	0,006	0,018
CYP2A6	rs28399468	C	A	0,017	0,017	0,023	0,020
CYP2A6	rs3891219	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A6	rs4079369	G	C	0,051	0,056	0,101	0,081
CYP2A6	rs4986891	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A6	rs5031016	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A6	rs8192729	C	T	0,051	0,056	0,102	0,081
CYP2A7	rs1060090	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A7	rs1060091	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A7	rs1060092	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A7	rs1060094	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A7	rs1060095	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A7	rs1060096	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A7	rs2545753	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A7	rs2545754	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A7	rs3869579	A	G	0,512	0,466	0,477	0,476
CYP2A7	rs4079366	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2A7	rs72547584	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs12721655	A	G	0,006	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs2279344	A	G	0,185	0,206	0,247	0,227
CYP2B6	rs28399499	T	C	0,073	0,011	0,017	0,019
CYP2B6	rs34097093	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs34223104	T	C	0,034	0,017	0,011	0,015
CYP2B6	rs34826503	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs35010098	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs35303484	A	G	0,006	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs35773040	G	A	0,006	0,000	0,011	0,007

CYP2B6	rs35979566	T	A	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs36056539	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs36060847	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs36079186	T	C	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs3745274	G	T	0,310	0,293	0,320	0,309
CYP2B6	rs3826711	C	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2B6	rs45482602	C	A	0,000	0,000	0,006	0,003
CYP2B6	rs4803418	C	G	0,230	0,306	0,309	0,301
CYP2B6	rs4803419	C	T	0,199	0,298	0,301	0,292
CYP2B6	rs8192709	C	T	0,011	0,096	0,052	0,065
CYP2B6	rs8192719	C	T	0,318	0,303	0,326	0,317
CYP2B7	rs7246981	C	T	0,046	0,063	0,094	0,079
CYP2B7P1	rs3745219	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C18	rs1326830	C	A	0,000	0,006	0,011	0,008
CYP2C18	rs2281891	C	T	0,101	0,100	0,114	0,108
CYP2C18	rs2296681	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C18	rs2860840	C	T	0,152	0,360	0,298	0,308
CYP2C18	rs41291550	T	A	0,068	0,006	0,000	0,008
CYP2C19	rs12248560	C	T	0,270	0,167	0,236	0,214
CYP2C19	rs17878459	G	C	0,017	0,022	0,006	0,013
CYP2C19	rs17879685	C	T	0,006	0,000	0,000	0,000
CYP2C19	rs28399504	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C19	rs3758581	G	A	0,011	0,051	0,051	0,047
CYP2C19	rs41291556	T	C	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C19	rs4244285	G	A	0,101	0,100	0,112	0,107
CYP2C19	rs4986893	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C19	rs55640102	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C19	rs55752064	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C19	rs56337013	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C19	rs6413438	C	T	0,000	0,006	0,000	0,002
CYP2C19	rs72558184	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C19	rs72558186	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C8	rs10509681	T	C	0,034	0,089	0,101	0,091
CYP2C8	rs1058930	G	C	0,028	0,044	0,017	0,028
CYP2C8	rs11572066	T	G	0,011	0,006	0,000	0,003
CYP2C8	rs11572103	T	A	0,129	0,034	0,028	0,038
CYP2C8	rs28399518	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
CYP2C8	rs66501115	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C8	rs72558194	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C9	rs1057909	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C9	rs1057910	A	C	0,011	0,056	0,056	0,053
CYP2C9	rs1057911	A	T	0,017	0,056	0,056	0,053
CYP2C9	rs1799853	C	T	0,034	0,100	0,096	0,092
CYP2C9	rs2017319	C	T	0,074	0,045	0,011	0,028
CYP2C9	rs2256871	A	G	0,063	0,028	0,017	0,025
CYP2C9	rs28371685	C	T	0,011	0,006	0,000	0,003
CYP2C9	rs28371686	C	G	0,000	0,006	0,000	0,002
CYP2C9	rs56165452	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C9	rs72558187	T	C	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C9	rs72558189	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C9	rs72558190	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C9	rs72558192	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C9	rs9332130	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2C9	rs9332239	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2D6	rs1058164	G	C	0,376	0,428	0,348	0,379
CYP2D6	rs1080985	G	C	0,129	0,217	0,287	0,249

CYP2D6	rs1135840	G	C	0,376	0,428	0,360	0,386
CYP2D6	rs16947	G	A	0,517	0,417	0,427	0,430
CYP2D6	rs1800716	G	A	0,084	0,128	0,191	0,160
CYP2D6	rs28360521	C	T	0,236	0,194	0,214	0,208
CYP2D6	rs28371706	G	A	0,140	0,106	0,011	0,056
CYP2D6	rs28371725	C	T	0,011	0,028	0,084	0,058
CYP2D6	rs5030862	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2D6	rs5030863	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2D6	rs5030867	T	G	0,000	0,006	0,000	0,002
CYP2D6	rs59421388	C	T	0,119	0,034	0,006	0,025
CYP2D6	rs72549347	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2D6	rs72549349	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2E1	rs2031920	C	T	0,028	0,039	0,045	0,042
CYP2E1	rs2070672	A	G	0,119	0,051	0,045	0,053
CYP2E1	rs2070673	T	A	0,551	0,361	0,275	0,328
CYP2E1	rs2515641	C	T	0,432	0,294	0,202	0,254
CYP2E1	rs3813867	G	C	0,041	0,056	0,040	0,046
CYP2E1	rs55897648	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2E1	rs6413419	G	A	0,163	0,089	0,062	0,080
CYP2E1	rs6413420	G	T	0,011	0,017	0,039	0,029
CYP2E1	rs915909	C	T	0,045	0,061	0,011	0,032
CYP2F1	rs305968	G	A	0,472	0,411	0,405	0,412
CYP2F1	rs57670668	G	C	0,000	0,017	0,011	0,012
CYP2J2	rs1056595	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2J2	rs1056596	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2J2	rs2228114	A	T	0,006	0,006	0,011	0,009
CYP2J2	rs55753213	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2J2	rs56053398	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2J2	rs56307989	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2J2	rs66515830	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2J2	rs72547598	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP2J2	rs890293	C	A	0,082	0,136	0,068	0,094
CYP2S1	rs16975056	G	A	0,028	0,011	0,000	0,006
CYP2S1	rs338599	C	G	0,090	0,112	0,051	0,076
CYP2S1	rs57266494	G	A	0,006	0,011	0,040	0,027
CYP2S1	rs60694775	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP39A1	rs59926524	G	C	0,006	0,000	0,000	0,000
CYP39A1	rs66992975	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP39A1	rs7761731	A	T	0,640	0,411	0,332	0,385
CYP39A1	rs9369629	G	C	0,074	0,100	0,039	0,064
CYP39A1	rs9381468	A	G	0,500	0,438	0,466	0,458
CYP3A4	rs1041988	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs12721627	G	C	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs12721634	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs2242480	C	T	0,576	0,391	0,242	0,322
CYP3A4	rs2740574	T	C	0,405	0,200	0,090	0,155
CYP3A4	rs28371759	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs3091339	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs3208361	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs3208363	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs45614732	G	A	0,000	0,006	0,000	0,002
CYP3A4	rs4986907	C	T	0,000	0,006	0,000	0,002
CYP3A4	rs4986909	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs4986910	A	G	0,006	0,000	0,006	0,004
CYP3A4	rs4986913	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs4987161	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000

CYP3A4	rs55785340	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs55901263	G	C	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs55951658	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs56324128	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs67784355	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A4	rs72552799	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A43	rs17342647	C	T	0,029	0,033	0,075	0,056
CYP3A43	rs45450092	G	T	0,034	0,006	0,000	0,005
CYP3A43	rs45621431	G	A	0,006	0,017	0,011	0,013
CYP3A43	rs4646474	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A43	rs680055	C	G	0,208	0,133	0,112	0,128
CYP3A43	rs800667	T	C	0,354	0,174	0,152	0,176
CYP3A5	rs10264272	C	T	0,056	0,022	0,022	0,025
CYP3A5	rs28365083	G	T	0,000	0,000	0,006	0,003
CYP3A5	rs28383468	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs28383479	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs41279854	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs41279857	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs45593941	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs55817950	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs55965422	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs56244447	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs56411402	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs72552791	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP3A5	rs776746	C	T	0,489	0,272	0,169	0,232
CYP3A7	rs28451617	C	T	0,039	0,028	0,023	0,026
CYP3A7	rs45446698	T	G	0,045	0,028	0,028	0,029
CYP3A7	rs45465393	G	A	0,000	0,006	0,006	0,005
CYP3A7	rs45467892	T	A	0,035	0,011	0,017	0,017
CYP3A7	rs55798860	C	T	0,006	0,011	0,000	0,004
CYP46A1	rs15506	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4A11	rs11211402	T	C	0,371	0,294	0,174	0,233
CYP4A11	rs72547594	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4A11	rs9332979	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
CYP4A11	rs9333037	T	A	0,085	0,056	0,040	0,050
CYP4B1	rs2297809	C	T	0,148	0,126	0,177	0,156
CYP4B1	rs2297810	G	A	0,343	0,222	0,230	0,236
CYP4B1	rs45467195	A	G	0,000	0,006	0,017	0,012
CYP4B1	rs4646487	C	T	0,129	0,156	0,108	0,127
CYP4B1	rs4646491	C	T	0,102	0,106	0,174	0,144
CYP4B1	rs7513658	G	A	0,045	0,022	0,006	0,015
CYP4F11	rs1060463	T	C	0,539	0,494	0,433	0,463
CYP4F11	rs2305801	C	T	0,392	0,244	0,172	0,216
CYP4F11	rs3765070	G	A	0,545	0,511	0,454	0,482
CYP4F11	rs8104361	G	A	0,264	0,194	0,152	0,176
CYP4F12	rs57578760	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F12	rs59302543	A	G	0,022	0,006	0,006	0,007
CYP4F12	rs593421	T	C	0,343	0,322	0,314	0,319
CYP4F12	rs609290	G	A	0,097	0,100	0,091	0,095
CYP4F12	rs609636	G	A	0,096	0,100	0,090	0,094
CYP4F12	rs688755	T	C	0,343	0,326	0,309	0,318
CYP4F2	rs2074900	G	A	0,185	0,244	0,343	0,295
CYP4F2	rs2108622	C	T	0,153	0,244	0,250	0,240
CYP4F2	rs2906890	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F2	rs2906891	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F2	rs3093106	T	C	0,270	0,211	0,236	0,229

CYP4F2	rs3093136	G	C	0,011	0,000	0,000	0,001
CYP4F2	rs3093153	C	A	0,051	0,050	0,047	0,048
CYP4F2	rs4605294	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F2	rs8100960	T	G	0,057	0,011	0,011	0,015
CYP4F2	rs8110714	G	A	0,056	0,011	0,011	0,015
CYP4F3	rs1053037	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F3	rs34923393	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F3	rs61734303	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F3	rs61734305	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F3	rs61734315	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F8	rs2056822	C	A	0,208	0,283	0,253	0,260
CYP4F8	rs2072600	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F8	rs4239614	T	C	0,210	0,283	0,253	0,260
CYP4F8	rs4646523	T	G	0,438	0,400	0,408	0,407
CYP4F8	rs4646532	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4F8	rs4808326	G	A	0,034	0,072	0,039	0,051
CYP4F8	rs59092606	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4Z1	rs2653927	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP4Z1	rs7554948	T	G	0,073	0,067	0,034	0,049
CYP51A1	rs2229188	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP51A1	rs59683852	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
CYP51A1	rs61735065	G	A	0,000	0,006	0,006	0,005
CYP51A1	rs72552785	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP51A1	rs7793861	C	G	0,500	0,428	0,343	0,386
CYP51A1	rs7797834	A	G	0,472	0,428	0,337	0,381
CYP7A1	rs13251066	A	G	0,303	0,317	0,405	0,365
CYP7A1	rs3808607	T	G	0,506	0,438	0,388	0,415
CYP7A1	rs8192874	T	C	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP7A1	rs8192875	C	T	0,006	0,000	0,000	0,000
CYP7A1	rs8192879	C	T	0,315	0,344	0,371	0,357
CYP7A1	rs881671	C	G	0,115	0,062	0,017	0,041
CYP7B1	rs6980478	A	G	0,112	0,144	0,169	0,155
CYP7B1	rs8192907	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
CYP8B1	rs6771233	G	T	0,343	0,383	0,354	0,364
CYP8B1	rs6774801	G	T	0,433	0,411	0,379	0,395
CYP8B1	rs735320	C	T	0,140	0,189	0,142	0,159
CYP8B1	rs741817	C	A	0,034	0,028	0,011	0,019
CYP8B1	rs7623741	C	T	0,039	0,011	0,000	0,007
CYP8B1	rs9816821	A	G	0,045	0,017	0,022	0,022
CYP8B1	rs9859496	G	A	0,085	0,028	0,022	0,029
DCK	rs4643786	T	C	0,360	0,244	0,101	0,174
DCK	rs66472932	C	G	0,011	0,000	0,006	0,004
DCK	rs66878317	A	G	0,006	0,011	0,006	0,008
DCK	rs67437265	C	T	0,028	0,028	0,000	0,012
DPYD	rs1042478	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs1042479	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs17376848	A	G	0,022	0,039	0,028	0,032
DPYD	rs1801158	C	T	0,012	0,017	0,028	0,023
DPYD	rs1801265	A	G	0,358	0,272	0,214	0,246
DPYD	rs1801266	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs1801267	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs1801268	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs2297595	T	C	0,045	0,061	0,073	0,066
DPYD	rs3918289	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs3918290	C	T	0,006	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs55886062	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000

DPYD	rs6670886	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs6675198	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs72549303	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs72549306	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
DPYD	rs72549310	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
EPHX1	rs1051740	T	C	0,230	0,247	0,242	0,243
EPHX1	rs1051741	C	T	0,086	0,072	0,080	0,078
EPHX1	rs2234697	C	T	0,011	0,000	0,000	0,001
EPHX1	rs2234698	T	C	0,000	0,011	0,028	0,020
EPHX1	rs2234699	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
EPHX1	rs2234700	T	C	0,034	0,022	0,000	0,011
EPHX1	rs2292566	G	A	0,152	0,161	0,146	0,152
EPHX1	rs2292568	C	T	0,034	0,039	0,051	0,045
EPHX1	rs3738046	G	C	0,006	0,000	0,000	0,000
EPHX1	rs4149229	G	A	0,067	0,017	0,011	0,018
EPHX1	rs4149230	G	C	0,022	0,028	0,045	0,037
EPHX1	rs4986931	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
EPHX2	rs17057255	C	T	0,056	0,050	0,039	0,045
EPHX2	rs2234912	C	A	0,006	0,006	0,012	0,009
EPHX2	rs41507953	A	G	0,244	0,094	0,091	0,104
EPHX2	rs57699806	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
FAAH	rs12094805	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
FAAH	rs324420	C	A	0,303	0,300	0,227	0,260
FMO1	rs1126692	A	G	0,384	0,230	0,138	0,191
FMO1	rs12954	C	T	0,101	0,167	0,202	0,181
FMO1	rs16864314	A	G	0,073	0,079	0,028	0,050
FMO1	rs56841822	C	G	0,006	0,011	0,000	0,004
FMO1	rs60639054	C	T	0,006	0,000	0,006	0,004
FMO1	rs742350	C	T	0,326	0,189	0,131	0,167
FMO1	rs7877	C	T	0,511	0,428	0,354	0,393
FMO2	rs2020860	T	C	0,191	0,128	0,045	0,087
FMO2	rs2020861	A	G	0,596	0,572	0,427	0,493
FMO2	rs2020863	A	G	0,135	0,079	0,073	0,080
FMO2	rs2020865	T	G	0,227	0,117	0,062	0,095
FMO2	rs2020866	C	T	0,011	0,011	0,000	0,005
FMO2	rs2020869	A	G	0,096	0,189	0,208	0,192
FMO2	rs2020870	A	G	0,101	0,067	0,073	0,073
FMO2	rs2307492	T	C	0,079	0,089	0,129	0,111
FMO2	rs28369895	G	A	0,034	0,017	0,000	0,009
FMO2	rs28369899	G	C	0,011	0,017	0,000	0,007
FMO2	rs55708639	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO2	rs6661174	T	C	0,096	0,050	0,022	0,038
FMO2	rs6664553	T	C	0,096	0,044	0,022	0,036
FMO2	rs6671692	G	A	0,097	0,045	0,023	0,037
FMO2	rs7512785	C	T	0,270	0,328	0,307	0,311
FMO2	rs7515157	C	T	0,365	0,371	0,332	0,348
FMO2	rs7536646	G	A	0,096	0,044	0,022	0,036
FMO3	rs1050902	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs1050906	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs12072582	G	C	0,028	0,011	0,000	0,006
FMO3	rs1736557	G	A	0,051	0,050	0,057	0,054
FMO3	rs1800822	C	T	0,124	0,117	0,096	0,105
FMO3	rs2066530	T	C	0,039	0,017	0,011	0,015
FMO3	rs2066532	G	C	0,006	0,000	0,006	0,004
FMO3	rs2066536	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs2266780	A	G	0,079	0,135	0,136	0,131

FMO3	rs2266782	G	A	0,376	0,394	0,365	0,377
FMO3	rs28363581	T	C	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs61753344	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549320	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549321	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549322	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549323	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549324	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549325	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549326	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549327	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549330	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549331	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549334	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs72549335	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO3	rs909530	C	T	0,432	0,352	0,270	0,313
FMO4	rs1042767	T	C	0,140	0,056	0,034	0,050
FMO4	rs2223477	A	G	0,523	0,383	0,399	0,403
FMO4	rs3737925	A	T	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO4	rs3737926	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO4	rs61342270	G	C	0,011	0,006	0,000	0,003
FMO5	rs1044772	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO5	rs1044848	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO5	rs11541483	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO5	rs72549314	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
FMO5	rs894469	T	C	0,138	0,050	0,096	0,082
FMO6	rs1736565	T	C	0,281	0,356	0,483	0,421
FMO6	rs2272797	G	A	0,149	0,151	0,082	0,113
FMO6	rs7886938	G	A	0,185	0,178	0,118	0,145
FMO6	rs7889839	A	G	0,185	0,178	0,118	0,145
GSTA1	rs1051566	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs1051573	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs1051739	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs1051745	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs1051757	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs1051777	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs1051866	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs1051873	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs1051874	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs3209670	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA1	rs4715332	A	C	0,278	0,294	0,365	0,333
GSTA2	rs13212306	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA2	rs2180314	G	C	0,556	0,483	0,388	0,436
GSTA2	rs2234951	G	A	0,006	0,017	0,034	0,025
GSTA2	rs2234952	A	T	0,056	0,006	0,006	0,010
GSTA2	rs2266632	C	T	0,017	0,017	0,006	0,011
GSTA2	rs6577	T	G	0,427	0,261	0,124	0,198
GSTA3	rs1052661	T	G	0,052	0,033	0,017	0,026
GSTA3	rs17851798	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA3	rs2281593	G	A	0,067	0,072	0,039	0,053
GSTA3	rs512795	T	C	0,517	0,333	0,247	0,300
GSTA3	rs59410661	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA3	rs9474342	C	T	0,092	0,056	0,023	0,040
GSTA4	rs13197674	T	C	0,376	0,389	0,287	0,331
GSTA4	rs1802061	C	T	0,028	0,061	0,028	0,040
GSTA4	rs367836	T	G	0,410	0,500	0,405	0,439

GSTA4	rs405729	T	C	0,517	0,437	0,563	0,514
GSTA4	rs4147617	T	C	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA4	rs6909523	T	C	0,163	0,094	0,034	0,066
GSTA4	rs7496	C	T	0,188	0,261	0,146	0,191
GSTA5	rs2397118	T	C	0,034	0,061	0,057	0,057
GSTA5	rs4515385	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA5	rs4715354	G	A	0,225	0,406	0,494	0,441
GSTA5	rs61734384	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTA5	rs7746993	C	A	0,107	0,039	0,017	0,032
GSTA5	rs7747555	G	A	0,028	0,050	0,068	0,058
GSTA5	rs7748890	G	A	0,343	0,217	0,084	0,153
GSTM2	rs1056799	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTM2	rs1056800	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTM2	rs11540636	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTM2	rs530021	G	C	0,096	0,067	0,067	0,069
GSTM3	rs1803687	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTM3	rs1803688	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTM3	rs4646412	C	A	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTM3	rs67174253	T	G	0,017	0,000	0,000	0,001
GSTM3	rs7483	C	T	0,129	0,208	0,222	0,209
GSTM4	rs17838156	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTM4	rs3211193	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTM4	rs506008	C	T	0,320	0,197	0,124	0,166
GSTM4	rs592792	C	T	0,124	0,094	0,107	0,104
GSTM5	rs1049741	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTM5	rs11807	T	C	0,126	0,165	0,126	0,140
GSTM5	rs1296954	C	T	0,333	0,393	0,410	0,398
GSTM5	rs17596954	T	C	0,017	0,050	0,067	0,057
GSTM5	rs2479390	A	G	0,069	0,131	0,172	0,149
GSTO1	rs11509436	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTO1	rs3211015	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTO1	rs4925	C	A	0,208	0,178	0,303	0,250
GSTP1	rs1138272	C	T	0,028	0,028	0,034	0,031
GSTP1	rs1695	A	G	0,382	0,294	0,332	0,322
GSTP1	rs4986949	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTP1	rs8191444	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTT2	rs1622002	G	A	0,118	0,067	0,017	0,043
GSTT2	rs72549344	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTZ1	rs1046428	C	T	0,107	0,206	0,180	0,183
GSTZ1	rs2234955	A	C	0,000	0,000	0,000	0,000
GSTZ1	rs3177427	G	A	0,267	0,261	0,279	0,272
GSTZ1	rs7972	G	A	0,011	0,039	0,039	0,037
HMGCR	rs1044453	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
HMGCR	rs17238351	G	A	0,022	0,017	0,006	0,011
HMGCR	rs17244722	T	C	0,022	0,017	0,006	0,011
HMGCR	rs3843482	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
HMGCR	rs5908	A	G	0,000	0,011	0,011	0,010
HMGCR	rs5909	G	A	0,067	0,062	0,068	0,066
HNMT	rs1050891	A	G	0,163	0,256	0,230	0,234
HNMT	rs16840132	G	C	0,034	0,006	0,000	0,005
HNMT	rs17851810	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
HNMT	rs4245861	C	T	0,171	0,261	0,236	0,240
HNMT	rs4646333	G	A	0,169	0,256	0,236	0,238
MAT1A	rs17102596	T	C	0,332	0,294	0,230	0,262
MAT1A	rs17851642	T	A	0,000	0,000	0,000	0,000
MAT1A	rs4934027	C	T	0,174	0,206	0,214	0,208

MAT1A	rs7087728	G	A	0,318	0,283	0,225	0,253
MAT1A	rs72558181	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
MAT1A	rs9285726	T	A	0,107	0,242	0,315	0,272
METTL1	rs11546004	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
METTL1	rs12823260	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
METTL1	rs7965963	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
METTL1	rs8176345	C	T	0,006	0,011	0,028	0,020
NAT1	rs4986782	G	A	0,006	0,011	0,028	0,020
NAT1	rs4986783	T	G	0,006	0,017	0,017	0,016
NAT1	rs4986988	C	T	0,006	0,017	0,017	0,016
NAT1	rs4986989	A	T	0,006	0,011	0,017	0,014
NAT1	rs4986990	G	A	0,006	0,017	0,017	0,016
NAT1	rs4986991	T	C	0,000	0,011	0,006	0,007
NAT1	rs4986992	T	G	0,000	0,011	0,006	0,007
NAT1	rs4986994	C	T	0,006	0,006	0,006	0,006
NAT1	rs4987076	G	A	0,000	0,017	0,017	0,016
NAT1	rs4987195	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT1	rs5030839	C	T	0,006	0,000	0,028	0,016
NAT1	rs55793712	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT1	rs56172717	A	T	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT1	rs56318881	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT1	rs56379106	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT1	rs72554605	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT1	rs8190858	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT2	rs1041983	C	T	0,358	0,305	0,297	0,304
NAT2	rs1208	A	G	0,478	0,421	0,466	0,451
NAT2	rs1799929	C	T	0,410	0,339	0,444	0,403
NAT2	rs1799930	G	A	0,197	0,222	0,247	0,234
NAT2	rs1799931	G	A	0,045	0,039	0,017	0,027
NAT2	rs1801279	G	A	0,091	0,017	0,017	0,023
NAT2	rs1801280	T	C	0,427	0,361	0,466	0,425
NAT2	rs1805158	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT2	rs4986996	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT2	rs4986997	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT2	rs56011192	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT2	rs56054745	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT2	rs72554615	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT2	rs72554616	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT2	rs72554617	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NAT2	rs72554618	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NNMT	rs1050207	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NNMT	rs11557218	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NNMT	rs1802605	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NNMT	rs1802606	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NNMT	rs2852425	T	C	0,494	0,461	0,335	0,393
NNMT	rs3741303	C	T	0,129	0,072	0,073	0,077
NQO1	rs1050873	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NQO1	rs10517	G	A	0,101	0,078	0,124	0,105
NQO1	rs1063556	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NQO1	rs1800566	G	A	0,230	0,239	0,230	0,233
NQO1	rs3191214	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NQO1	rs4986998	G	A	0,017	0,033	0,022	0,026
NQO1	rs689453	C	T	0,067	0,073	0,067	0,069
NR1I2	rs1063955	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I2	rs12721613	C	T	0,063	0,039	0,028	0,035
NR1I2	rs2276707	C	T	0,332	0,309	0,239	0,271

NR1I2	rs35761343	G	A	0,000	0,006	0,000	0,002
NR1I2	rs3814055	C	T	0,365	0,361	0,315	0,335
NR1I2	rs4058490	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I2	rs45442294	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I2	rs45610735	G	A	0,011	0,011	0,017	0,014
NR1I2	rs6785049	A	G	0,697	0,633	0,494	0,561
NR1I2	rs72551371	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I2	rs72551372	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I2	rs72551373	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I2	rs72551374	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I2	rs72551375	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I2	rs72551376	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I3	rs11584174	C	T	0,112	0,100	0,197	0,155
NR1I3	rs2501870	G	A	0,365	0,356	0,191	0,264
NR1I3	rs5085	C	G	0,129	0,194	0,210	0,198
NR1I3	rs55802895	C	T	0,067	0,094	0,180	0,140
NR1I3	rs72549318	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR1I3	rs72549319	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR3C1	rs258751	G	A	0,075	0,044	0,022	0,035
NR3C1	rs33391	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR3C1	rs6187	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR3C1	rs6189	C	T	0,006	0,006	0,011	0,009
NR3C1	rs6190	C	T	0,006	0,006	0,011	0,009
NR3C1	rs6192	A	C	0,006	0,006	0,006	0,006
NR3C1	rs6193	T	C	0,039	0,022	0,006	0,014
NR3C1	rs6194	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
NR3C1	rs6195	T	C	0,017	0,022	0,017	0,019
NR3C1	rs6196	A	G	0,144	0,118	0,112	0,117
NR3C1	rs6197	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
NR3C1	rs6199	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
ORM1	rs1126712	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ORM1	rs11552130	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ORM1	rs1803076	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ORM1	rs1803077	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
ORM2	rs12685968	G	C	0,000	0,000	0,000	0,000
ORM2	rs2636889	T	C	0,191	0,083	0,051	0,074
PNMT	rs2952151	C	T	0,403	0,460	0,401	0,423
PNMT	rs45548538	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PNMT	rs5639	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PNMT	rs5643	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PON1	rs3917464	C	G	0,045	0,039	0,000	0,018
PON1	rs3917594	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PON1	rs854560	A	T	0,190	0,300	0,284	0,282
PON2	rs13242987	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PON2	rs13306699	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PON2	rs13306701	T	C	0,000	0,000	0,000	0,000
PON2	rs17876174	A	C	0,034	0,011	0,006	0,010
PON3	rs11764079	C	T	0,298	0,284	0,293	0,290
PON3	rs11770903	A	G	0,298	0,278	0,287	0,284
PON3	rs13226149	G	A	0,298	0,267	0,287	0,280
PON3	rs17880470	A	G	0,000	0,006	0,006	0,005
PON3	rs17882539	G	A	0,282	0,259	0,279	0,272
PON3	rs17885453	G	A	0,051	0,028	0,006	0,017
PON3	rs2072200	G	C	0,185	0,222	0,216	0,216
POR	rs17685	G	A	0,236	0,156	0,208	0,191
POR	rs6965343	C	T	0,354	0,306	0,371	0,346

PPARD	rs1003973	A	C	0,086	0,103	0,165	0,136
PPARD	rs1053046	G	A	0,320	0,189	0,148	0,176
PPARD	rs1883321	C	T	0,034	0,011	0,000	0,007
PPARD	rs1883322	T	C	0,398	0,320	0,332	0,333
PPARD	rs1883323	A	G	0,000	0,006	0,006	0,005
PPARD	rs2038067	A	G	0,090	0,117	0,152	0,134
PPARD	rs2076167	T	C	0,405	0,333	0,320	0,332
PPARD	rs2267664	G	A	0,090	0,045	0,011	0,030
PPARD	rs2267665	G	A	0,079	0,108	0,142	0,125
PPARD	rs2267667	C	G	0,448	0,328	0,316	0,331
PPARD	rs2267668	A	G	0,090	0,117	0,152	0,134
PPARD	rs2267669	A	G	0,091	0,118	0,153	0,136
PPARD	rs2284197	A	G	0,006	0,022	0,006	0,012
PPARD	rs2299867	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs3798343	C	G	0,146	0,094	0,051	0,074
PPARD	rs4278009	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs4292520	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs4323304	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs4360132	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs4388282	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs4555908	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs4587165	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs4632889	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs4713851	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARD	rs6457813	C	T	0,067	0,061	0,039	0,049
PPARD	rs6457815	T	C	0,403	0,206	0,152	0,191
PPARD	rs6457816	T	C	0,416	0,239	0,185	0,223
PPARD	rs6901410	T	C	0,466	0,267	0,184	0,237
PPARD	rs6906237	C	A	0,320	0,178	0,174	0,187
PPARD	rs6911817	C	T	0,135	0,050	0,056	0,060
PPARD	rs6913026	C	G	0,085	0,039	0,017	0,030
PPARD	rs6915115	C	T	0,073	0,044	0,022	0,034
PPARD	rs6919734	G	A	0,047	0,028	0,024	0,027
PPARD	rs6922548	A	G	0,466	0,261	0,185	0,235
PPARD	rs6940722	G	C	0,085	0,040	0,017	0,031
PPARD	rs7739752	C	T	0,466	0,264	0,192	0,240
PPARD	rs7744392	A	G	0,080	0,079	0,074	0,076
PPARD	rs7746988	T	C	0,326	0,150	0,079	0,124
PPARD	rs7751481	G	A	0,443	0,333	0,332	0,341
PPARD	rs7754530	T	G	0,090	0,039	0,017	0,031
PPARD	rs7757196	G	A	0,045	0,028	0,017	0,023
PPARD	rs7758272	A	G	0,084	0,078	0,073	0,076
PPARD	rs7769719	G	A	0,244	0,150	0,152	0,158
PPARD	rs7770619	C	T	0,091	0,073	0,091	0,084
PPARD	rs7771474	C	T	0,057	0,033	0,023	0,029
PPARD	rs7772754	C	G	0,017	0,011	0,006	0,009
PPARG	rs1152003	C	G	0,646	0,500	0,399	0,455
PPARG	rs1801282	C	G	0,022	0,056	0,107	0,081
PPARG	rs3856806	C	T	0,062	0,067	0,124	0,098
PPARG	rs4135352	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARG	rs72551364	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PPARG	rs9833097	G	A	0,144	0,133	0,135	0,135
PTGIS	rs5584	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PTGIS	rs56195291	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PTGIS	rs5621	C	A	0,000	0,006	0,000	0,002
PTGIS	rs5622	A	T	0,006	0,000	0,000	0,000

PTGIS	rs5623	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PTGIS	rs5624	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PTGIS	rs5625	G	A	0,022	0,000	0,006	0,005
PTGIS	rs5626	G	A	0,022	0,006	0,000	0,004
PTGIS	rs5629	G	T	0,163	0,211	0,242	0,224
PTGIS	rs5630	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
PTGIS	rs6067121	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
RALBP1	rs10898	T	C	0,352	0,332	0,315	0,324
RALBP1	rs11559053	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
RALBP1	rs12680	G	C	0,146	0,094	0,084	0,093
RALBP1	rs3322	G	A	0,034	0,061	0,090	0,075
RPL13	rs16965839	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
RPL13	rs458440	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
RXRA	rs72554631	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
RXRA	rs9615	G	C	0,022	0,044	0,063	0,053
SEC15L1	rs7917267	C	T	0,034	0,011	0,011	0,013
SETD4	rs41557318	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC10A1	rs2296651	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC10A1	rs4646285	C	T	0,096	0,084	0,096	0,091
SLC10A1	rs55645214	A	G	0,028	0,033	0,011	0,021
SLC10A1	rs56903885	G	T	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC10A1	rs61745930	A	G	0,017	0,006	0,000	0,003
SLC10A1	rs72547506	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC10A1	rs72547507	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC10A2	rs157381	C	T	0,011	0,017	0,000	0,007
SLC10A2	rs188096	C	A	0,051	0,139	0,125	0,124
SLC10A2	rs2301157	G	A	0,590	0,596	0,494	0,539
SLC10A2	rs2301159	G	A	0,309	0,298	0,292	0,296
SLC10A2	rs279941	C	A	0,051	0,139	0,124	0,123
SLC10A2	rs279942	G	C	0,256	0,264	0,275	0,270
SLC10A2	rs3803258	T	C	0,118	0,100	0,202	0,159
SLC10A2	rs7987433	T	C	0,174	0,150	0,163	0,159
SLC13A1	rs10281158	C	T	0,006	0,006	0,000	0,003
SLC13A1	rs1880179	G	T	0,244	0,298	0,405	0,353
SLC13A1	rs2140516	T	C	0,236	0,278	0,253	0,260
SLC13A1	rs2204295	G	C	0,388	0,439	0,410	0,419
SLC13A1	rs45621838	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC13A1	rs6466854	G	A	0,000	0,028	0,011	0,016
SLC13A1	rs6962039	G	A	0,328	0,282	0,259	0,273
SLC15A1	rs1339067	G	A	0,236	0,275	0,332	0,304
SLC15A1	rs2274827	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A1	rs2274828	C	T	0,011	0,000	0,000	0,001
SLC15A1	rs45513193	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A1	rs45545032	T	C	0,017	0,006	0,006	0,006
SLC15A1	rs45562741	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A1	rs45569639	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A1	rs45628337	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A1	rs4646227	C	G	0,079	0,067	0,045	0,055
SLC15A1	rs56120058	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A1	rs8187821	G	T	0,011	0,000	0,000	0,001
SLC15A1	rs8187823	C	T	0,000	0,006	0,000	0,002
SLC15A1	rs8187830	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A1	rs8187832	G	A	0,136	0,056	0,039	0,053
SLC15A1	rs8187836	G	A	0,011	0,006	0,006	0,006
SLC15A1	rs8187838	G	T	0,011	0,011	0,011	0,011
SLC15A1	rs8187840	C	T	0,000	0,006	0,017	0,011

SLC15A2	rs1143669	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A2	rs1143670	A	G	0,444	0,383	0,405	0,400
SLC15A2	rs1143671	C	T	0,461	0,394	0,405	0,405
SLC15A2	rs1143672	G	A	0,461	0,394	0,399	0,402
SLC15A2	rs1920305	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A2	rs1920313	C	T	0,039	0,017	0,006	0,012
SLC15A2	rs1920314	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC15A2	rs2257212	C	T	0,461	0,394	0,405	0,405
SLC15A2	rs2293616	G	A	0,461	0,399	0,405	0,407
SLC15A2	rs4388019	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC16A1	rs1049434	T	A	0,225	0,367	0,399	0,373
SLC16A1	rs11585690	A	C	0,000	0,011	0,017	0,013
SLC16A1	rs11811205	C	G	0,028	0,006	0,011	0,011
SLC16A1	rs12090418	G	A	0,028	0,033	0,006	0,017
SLC16A1	rs12727968	G	T	0,067	0,078	0,112	0,096
SLC16A1	rs7169	A	G	0,227	0,365	0,409	0,379
SLC16A1	rs9429505	A	G	0,438	0,256	0,230	0,256
SLC19A1	rs57725551	G	T	0,011	0,011	0,011	0,011
SLC19A1	rs60881836	T	C	0,063	0,034	0,011	0,024
SLC22A1	rs12208357	C	T	0,051	0,039	0,045	0,043
SLC22A1	rs16891138	A	C	0,017	0,017	0,000	0,007
SLC22A1	rs1867351	T	C	0,247	0,194	0,253	0,231
SLC22A1	rs2282143	C	T	0,045	0,050	0,045	0,047
SLC22A1	rs45447195	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A1	rs45467495	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A1	rs45498594	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A1	rs45504100	C	T	0,023	0,000	0,006	0,005
SLC22A1	rs45512393	G	A	0,011	0,022	0,011	0,015
SLC22A1	rs45523639	G	A	0,000	0,000	0,022	0,013
SLC22A1	rs45545936	G	T	0,034	0,000	0,006	0,006
SLC22A1	rs45573733	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
SLC22A1	rs45586836	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A1	rs45607934	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A1	rs45618434	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A1	rs4646277	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A1	rs4646278	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A1	rs55918055	T	C	0,006	0,006	0,000	0,002
SLC22A1	rs628031	G	A	0,332	0,289	0,326	0,313
SLC22A1	rs683369	C	G	0,124	0,128	0,135	0,131
SLC22A1	rs9457846	G	A	0,011	0,011	0,000	0,005
SLC22A11	rs11231820	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A11	rs12785832	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A11	rs1783811	G	A	0,174	0,228	0,320	0,275
SLC22A11	rs2078267	T	C	0,775	0,626	0,535	0,587
SLC22A11	rs34525500	T	G	0,011	0,000	0,006	0,004
SLC22A12	rs72559738	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A13	rs1444241	C	T	0,101	0,022	0,017	0,026
SLC22A13	rs149836	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A13	rs4679028	G	A	0,461	0,317	0,244	0,288
SLC22A13	rs72551365	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A13	rs72551366	C	G	0,006	0,006	0,006	0,006
SLC22A13	rs9842091	T	C	0,182	0,091	0,051	0,076
SLC22A14	rs149738	A	G	0,379	0,367	0,365	0,367
SLC22A14	rs171248	T	C	0,494	0,411	0,375	0,398
SLC22A14	rs183574	A	C	0,275	0,317	0,354	0,334
SLC22A14	rs6792261	C	T	0,062	0,106	0,067	0,081

SLC22A14	rs6799737	T	G	0,063	0,111	0,067	0,083
SLC22A14	rs704930	G	T	0,062	0,044	0,011	0,027
SLC22A2	rs316003	T	C	0,461	0,228	0,236	0,251
SLC22A2	rs316019	C	A	0,146	0,133	0,107	0,119
SLC22A2	rs3907239	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A2	rs45438494	G	A	0,000	0,006	0,000	0,002
SLC22A2	rs45482799	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A2	rs45520136	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A2	rs45523637	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A2	rs45527731	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A2	rs45577942	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A2	rs45591037	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A2	rs45592541	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A2	rs624249	C	A	0,236	0,290	0,409	0,352
SLC22A2	rs8177516	G	A	0,006	0,006	0,006	0,006
SLC22A2	rs8177517	T	G	0,034	0,000	0,006	0,006
SLC22A2	rs8177520	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A3	rs2292334	G	A	0,287	0,344	0,320	0,326
SLC22A3	rs3918291	T	C	0,006	0,000	0,006	0,004
SLC22A3	rs45604940	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A3	rs8187722	A	G	0,017	0,006	0,017	0,013
SLC22A4	rs1050152	C	T	0,214	0,272	0,382	0,329
SLC22A4	rs272893	C	T	0,332	0,350	0,326	0,335
SLC22A4	rs460415	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A4	rs4646201	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A5	rs1045019	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A5	rs1045020	C	T	0,046	0,056	0,096	0,077
SLC22A5	rs2405518	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A5	rs274548	C	T	0,328	0,236	0,167	0,204
SLC22A5	rs274558	A	G	0,371	0,394	0,337	0,360
SLC22A5	rs72552722	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A5	rs72552727	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A5	rs72552731	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A6	rs45469996	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A6	rs45482591	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A6	rs45482701	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A6	rs45564337	C	T	0,051	0,022	0,011	0,018
SLC22A6	rs45607933	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A6	rs72559735	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A7	rs2242416	G	A	0,775	0,567	0,534	0,565
SLC22A7	rs2270860	C	T	0,626	0,431	0,391	0,424
SLC22A7	rs2651184	C	T	0,028	0,022	0,017	0,020
SLC22A7	rs2651185	T	C	0,028	0,022	0,017	0,020
SLC22A7	rs2841646	G	A	0,028	0,022	0,017	0,020
SLC22A7	rs35385682	C	A	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A7	rs36040909	C	T	0,006	0,000	0,006	0,004
SLC22A8	rs2276299	A	T	0,129	0,233	0,171	0,190
SLC22A8	rs45438191	A	G	0,028	0,006	0,000	0,004
SLC22A8	rs45511192	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A8	rs45512894	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A8	rs45513295	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A8	rs45516999	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A8	rs45545636	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A8	rs45566039	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A8	rs45577232	T	A	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC22A8	rs45604034	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000

SLC22A8	rs45627136	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs2242046	A	G	0,837	0,691	0,551	0,625
SLC28A1	rs2242048	G	A	0,108	0,102	0,115	0,110
SLC28A1	rs2277577	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs2290272	G	A	0,332	0,317	0,303	0,310
SLC28A1	rs2305367	G	A	0,449	0,444	0,337	0,385
SLC28A1	rs3803390	C	T	0,073	0,083	0,107	0,096
SLC28A1	rs45461198	G	A	0,000	0,000	0,006	0,003
SLC28A1	rs45491496	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs45507295	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs45509196	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs45515197	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs45519040	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs45523532	G	T	0,017	0,017	0,017	0,017
SLC28A1	rs45531334	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs45537142	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs45584739	T	C	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs45586931	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs72547519	A	G	0,006	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs72547520	A	G	0,000	0,000	0,006	0,003
SLC28A1	rs8025045	G	T	0,176	0,135	0,118	0,129
SLC28A1	rs8042415	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs8187737	C	T	0,028	0,033	0,011	0,021
SLC28A1	rs8187751	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A1	rs8187755	A	T	0,039	0,017	0,017	0,019
SLC28A1	rs8187758	C	A	0,253	0,239	0,225	0,232
SLC28A1	rs8187779	C	A	0,006	0,011	0,011	0,011
SLC28A2	rs10519020	G	C	0,180	0,078	0,034	0,061
SLC28A2	rs1060896	A	C	0,753	0,678	0,393	0,525
SLC28A2	rs17215633	T	C	0,017	0,022	0,000	0,009
SLC28A2	rs2271437	T	G	0,051	0,045	0,022	0,033
SLC28A2	rs45532537	T	A	0,017	0,006	0,017	0,013
SLC28A2	rs8023604	T	C	0,335	0,169	0,034	0,107
SLC28A2	rs9635306	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC28A3	rs10868138	T	C	0,140	0,078	0,084	0,086
SLC28A3	rs10868153	T	G	0,300	0,111	0,131	0,137
SLC28A3	rs45473591	T	C	0,006	0,000	0,000	0,000
SLC28A3	rs45530932	C	T	0,011	0,028	0,006	0,014
SLC28A3	rs7043492	G	A	0,017	0,017	0,011	0,014
SLC28A3	rs7853758	G	A	0,219	0,283	0,169	0,214
SLC28A3	rs7867504	T	C	0,631	0,544	0,421	0,482
SLC29A1	rs14623	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC29A1	rs186556	C	T	0,034	0,028	0,022	0,025
SLC29A1	rs45458701	G	A	0,006	0,006	0,000	0,002
SLC29A1	rs45469796	G	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC29A1	rs45472398	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
SLC29A1	rs45485801	T	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC29A1	rs45487493	C	A	0,000	0,006	0,000	0,002
SLC29A1	rs45573936	T	C	0,011	0,000	0,011	0,007
SLC29A1	rs8187630	G	A	0,006	0,000	0,000	0,000
SLC29A2	rs45448593	C	O	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC29A2	rs45448697	C	T	0,006	0,006	0,000	0,002
SLC29A2	rs45458794	C	T	0,017	0,000	0,000	0,001
SLC29A2	rs8187661	G	A	0,023	0,011	0,011	0,012
SLC5A6	rs1064845	C	T	0,006	0,017	0,000	0,006
SLC5A6	rs1275523	A	O	0,000	0,000	0,000	0,000

SLC5A6	rs1275524	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC5A6	rs4327199	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC5A6	rs56970590	T	C	0,028	0,067	0,040	0,049
SLC5A6	rs7081	T	C	0,432	0,200	0,090	0,157
SLC6A6	rs1042350	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC6A6	rs1042351	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC6A6	rs1042352	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC6A6	rs2341968	T	C	0,131	0,056	0,011	0,037
SLC6A6	rs2341970	C	T	0,169	0,194	0,318	0,261
SLC6A6	rs9036	A	G	0,157	0,150	0,185	0,170
SLC6A6	rs9879642	C	T	0,011	0,017	0,006	0,010
SLC7A5	rs1060250	G	C	0,039	0,017	0,000	0,009
SLC7A5	rs1060253	G	C	0,233	0,256	0,284	0,270
SLC7A5	rs1060254	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC7A7	rs1061040	C	T	0,332	0,161	0,129	0,157
SLC7A7	rs1805059	T	C	0,483	0,395	0,313	0,356
SLC7A7	rs1805061	A	G	0,193	0,206	0,214	0,209
SLC7A7	rs2281677	G	A	0,483	0,400	0,332	0,368
SLC7A7	rs45533132	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLC7A7	rs8016634	G	A	0,039	0,033	0,011	0,021
SLC7A7	rs8018462	G	A	0,523	0,444	0,400	0,426
SLC7A8	rs1884545	G	A	0,062	0,106	0,124	0,112
SLC7A8	rs2236135	A	G	0,264	0,206	0,185	0,199
SLC7A8	rs2268873	A	G	0,250	0,167	0,218	0,202
SLC7A8	rs2268877	A	G	0,281	0,233	0,197	0,217
SLC7A8	rs7141505	A	C	0,489	0,483	0,388	0,430
SLC7A8	rs8013529	A	G	0,073	0,106	0,129	0,116
SLC7A8	rs910795	A	G	0,320	0,183	0,157	0,180
SLCO1A2	rs10841795	A	G	0,039	0,106	0,084	0,088
SLCO1A2	rs11568557	G	C	0,023	0,011	0,017	0,015
SLCO1A2	rs11568563	T	G	0,011	0,006	0,090	0,053
SLCO1A2	rs11568567	T	A	0,017	0,000	0,017	0,011
SLCO1A2	rs4078	A	G	0,079	0,139	0,146	0,138
SLCO1A2	rs45457593	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1A2	rs45478895	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1A2	rs45488497	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1A2	rs45502302	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1A2	rs45628437	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1A2	rs72559750	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1A2	rs7298982	T	C	0,011	0,011	0,011	0,011
SLCO1A2	rs7312628	C	T	0,152	0,072	0,017	0,048
SLCO1A2	rs7484455	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1A2	rs7957203	A	T	0,259	0,365	0,287	0,313
SLCO1B1	rs11045819	C	A	0,079	0,117	0,118	0,114
SLCO1B1	rs2291075	C	T	0,494	0,406	0,386	0,402
SLCO1B1	rs2306282	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B1	rs2306283	A	G	0,663	0,550	0,455	0,506
SLCO1B1	rs4149015	G	A	0,039	0,056	0,045	0,048
SLCO1B1	rs4149056	T	C	0,107	0,111	0,146	0,130
SLCO1B1	rs4149057	C	T	0,680	0,478	0,522	0,519
SLCO1B1	rs55737008	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B1	rs55901008	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B1	rs56101265	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B1	rs56199088	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B1	rs56387224	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B1	rs59502379	G	C	0,022	0,011	0,000	0,006

SLCO1B1	rs72559745	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B1	rs72559746	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B1	rs72559747	C	G	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B1	rs72559748	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B3	rs2053098	G	A	0,460	0,324	0,210	0,271
SLCO1B3	rs3764006	A	G	0,506	0,315	0,210	0,272
SLCO1B3	rs4149117	G	T	0,455	0,328	0,214	0,274
SLCO1B3	rs4149143	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO1B3	rs7311358	A	G	0,461	0,328	0,214	0,275
SLCO2B1	rs1109407	G	A	0,057	0,034	0,000	0,017
SLCO2B1	rs1621378	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO2B1	rs2306167	G	T	0,135	0,072	0,034	0,056
SLCO2B1	rs59305495	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO2B1	rs72559740	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO3A1	rs1517618	C	G	0,118	0,122	0,124	0,123
SLCO3A1	rs2190748	G	A	0,590	0,444	0,382	0,421
SLCO3A1	rs2283458	G	A	0,247	0,333	0,375	0,350
SLCO3A1	rs3743369	A	G	0,438	0,372	0,358	0,370
SLCO3A1	rs960440	C	G	0,135	0,167	0,169	0,165
SLCO4A1	rs3787537	C	T	0,172	0,222	0,275	0,248
SLCO4A1	rs6090151	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO4A1	rs6090189	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO4A1	rs6090200	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SLCO5A1	rs1138541	C	T	0,410	0,320	0,309	0,321
SLCO5A1	rs16936279	T	G	0,163	0,189	0,230	0,210
SLCO5A1	rs2380563	G	T	0,153	0,062	0,084	0,082
SLCO5A1	rs3750266	G	A	0,558	0,432	0,426	0,439
SPG7	rs12960	G	A	0,090	0,139	0,157	0,145
SPG7	rs17783943	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SPG7	rs2099104	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SPG7	rs2292954	A	G	0,090	0,139	0,153	0,143
SPG7	rs60488729	C	T	0,034	0,028	0,006	0,016
SPG7	rs72547552	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT1A2	rs10797300	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT1A2	rs45472392	T	C	0,022	0,006	0,000	0,004
SULT1A2_A3	rs11150564	C	T	0,253	0,330	0,403	0,365
SULT1A2_A3	rs11401	A	G	0,167	0,148	0,147	0,149
SULT1A2_A3	rs11859842	A	G	0,219	0,344	0,438	0,387
SULT1A2_A3	rs13331798	T	G	0,261	0,194	0,202	0,204
SULT1A2_A3	rs3862476	T	C	0,023	0,034	0,040	0,037
SULT1A2_A3	rs4788172	G	A	0,222	0,146	0,109	0,132
SULT1B1	rs11249460	G	A	0,416	0,389	0,335	0,361
SULT1B1	rs11569731	A	G	0,090	0,050	0,067	0,063
SULT1B1	rs11731028	C	T	0,208	0,300	0,365	0,329
SULT1B1	rs1604741	A	G	0,427	0,478	0,472	0,470
SULT1B1	rs4149416	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT1B1	rs57806190	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT1C1	rs1047309	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT1C1	rs1047310	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT1C1	rs1047311	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT1C1	rs14700	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT1C1	rs17036104	T	G	0,039	0,044	0,062	0,054
SULT1C1	rs3731680	A	G	0,039	0,044	0,062	0,054
SULT1C1	rs45611232	G	A	0,011	0,011	0,006	0,008
SULT1C1	rs72549391	A	C	0,000	0,000	0,006	0,003
SULT1C1	rs72549392	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000

SULT1C2	rs13032083	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT1C2	rs1402467	C	G	0,601	0,389	0,275	0,342
SULT1C2	rs3754926	G	A	0,084	0,067	0,006	0,034
SULT1C2	rs4149430	C	T	0,000	0,011	0,000	0,004
SULT1C2	rs6710340	A	C	0,034	0,006	0,006	0,008
SULT1C2	rs6739225	A	G	0,022	0,006	0,006	0,007
SULT1E1	rs1881668	C	G	0,421	0,356	0,230	0,291
SULT1E1	rs3736599	C	T	0,157	0,111	0,096	0,106
SULT1E1	rs3775770	C	T	0,169	0,256	0,270	0,257
SULT1E1	rs3822172	T	C	0,296	0,194	0,152	0,179
SULT1E1	rs4149528	T	C	0,045	0,017	0,034	0,028
SULT2A1	rs11083907	G	A	0,045	0,017	0,011	0,016
SULT2A1	rs11569679	C	T	0,067	0,022	0,000	0,013
SULT2A1	rs11569685	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT2A1	rs17851828	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT2A1	rs45595336	T	C	0,006	0,000	0,006	0,004
SULT2B1	rs1052124	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT2B1	rs1132054	T	C	0,659	0,528	0,477	0,510
SULT2B1	rs2302947	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT2B1	rs2302948	C	T	0,165	0,202	0,270	0,237
SULT2B1	rs2544794	C	T	0,191	0,155	0,165	0,163
SULT2B1	rs45478993	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT2B1	rs45568241	T	C	0,000	0,006	0,000	0,002
SULT4A1	rs11542811	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT4A1	rs138056	C	A	0,315	0,283	0,214	0,247
SULT4A1	rs138057	A	G	0,313	0,287	0,216	0,249
SULT4A1	rs17852027	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
SULT4A1	rs3179394	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs1042561	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs3735354	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs41275018	G	A	0,000	0,006	0,000	0,002
TBXAS1	rs4526	G	A	0,034	0,033	0,006	0,018
TBXAS1	rs4527	C	T	0,028	0,028	0,006	0,015
TBXAS1	rs4528	C	G	0,017	0,022	0,006	0,013
TBXAS1	rs4529	C	G	0,039	0,050	0,022	0,034
TBXAS1	rs55856189	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs56091454	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs5760	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs5761	G	A	0,000	0,011	0,000	0,004
TBXAS1	rs5762	C	T	0,017	0,000	0,000	0,001
TBXAS1	rs5763	C	A	0,006	0,000	0,017	0,010
TBXAS1	rs5764	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs5768	C	A	0,006	0,011	0,006	0,008
TBXAS1	rs5769	A	G	0,029	0,039	0,000	0,017
TBXAS1	rs5771	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs6137	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs6138	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs6140	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs8192833	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs8192864	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
TBXAS1	rs8192868	G	A	0,017	0,000	0,011	0,008
TPMT	rs1142345	T	C	0,028	0,017	0,022	0,021
TPMT	rs1800460	C	T	0,006	0,011	0,006	0,008
TPMT	rs1800462	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TPMT	rs1800584	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TPMT	rs56161402	C	T	0,011	0,006	0,000	0,003

TPMT	rs6921269	C	A	0,034	0,006	0,000	0,005
TPMT	rs72552739	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TPSG1	rs909921	T	C	0,368	0,310	0,371	0,349
TYMS	rs11540152	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TYMS	rs11540153	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TYMS	rs3786362	A	G	0,006	0,022	0,017	0,018
TYMS	rs596909	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
TYMS	rs59755869	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs1042640	C	G	0,236	0,211	0,219	0,218
UGT1A1	rs10929302	G	A	0,264	0,328	0,326	0,322
UGT1A1	rs10929303	C	T	0,360	0,267	0,247	0,263
UGT1A1	rs1976391	A	G	0,352	0,389	0,379	0,381
UGT1A1	rs3755319	A	C	0,584	0,517	0,506	0,516
UGT1A1	rs4124874	T	G	0,669	0,572	0,523	0,552
UGT1A1	rs4148323	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs45627238	C	A	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs55750087	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs56059937	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs62625011	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551340	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551341	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551342	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551343	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551344	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551345	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551348	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551349	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551350	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551351	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551352	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551353	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551354	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551355	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551357	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs72551361	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A1	rs7586110	T	G	0,256	0,333	0,348	0,335
UGT1A1	rs8330	C	G	0,371	0,272	0,258	0,272
UGT1A1	rs887829	C	T	0,354	0,394	0,369	0,377
UGT1A10	rs45523834	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A10	rs56935833	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A10	rs58704432	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A3	rs28898617	A	G	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A3	rs45625338	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A4	rs6755571	C	A	0,017	0,034	0,051	0,042
UGT1A4	rs72551335	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A5	rs1042709	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A5	rs28900406	C	T	0,006	0,000	0,000	0,000
UGT1A5	rs72551334	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A6	rs17863783	G	T	0,073	0,067	0,022	0,042
UGT1A6	rs17874942	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A6	rs3755320	C	A	0,125	0,097	0,091	0,096
UGT1A7	rs1126802	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A7	rs61261057	G	A	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A8	rs1126788	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A8	rs1126790	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A8	rs1126792	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000

UGT1A8	rs1126793	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A8	rs1126798	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A8	rs1126804	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A8	rs17863762	G	A	0,006	0,033	0,011	0,019
UGT1A9	rs1042707	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A9	rs1042708	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A9	rs1105880	A	G	0,309	0,367	0,320	0,336
UGT1A9	rs1126803	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A9	rs58597806	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A9	rs66915469	T	G	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A9	rs6759892	T	G	0,326	0,400	0,371	0,378
UGT1A9	rs72551329	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT1A9	rs72551330	T	C	0,006	0,011	0,017	0,014
UGT2A1	rs11249454	T	C	0,136	0,131	0,149	0,142
UGT2A1	rs1347046	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2A1	rs2288741	T	G	0,219	0,189	0,275	0,240
UGT2A1	rs4148301	C	T	0,085	0,080	0,096	0,089
UGT2A1	rs4148304	C	T	0,079	0,106	0,157	0,132
UGT2A1	rs4148310	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2A1	rs4148311	C	T	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B11	rs3890590	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B11	rs72551394	G	T	0,045	0,034	0,056	0,047
UGT2B11	rs72551395	A	T	0,011	0,017	0,006	0,010
UGT2B11	rs72551396	C	T	0,000	0,011	0,011	0,010
UGT2B11	rs7697037	A	G	0,236	0,156	0,140	0,154
UGT2B15	rs1902023	A	C	0,528	0,528	0,500	0,512
UGT2B15	rs72551389	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B15	rs72551390	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B28	rs41292949	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B28	rs41292951	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B28	rs6828191	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B4	rs1051752	T	G	0,063	0,034	0,029	0,033
UGT2B4	rs1131878	T	C	0,339	0,361	0,303	0,327
UGT2B4	rs13119049	A	T	0,185	0,244	0,230	0,232
UGT2B4	rs13142440	G	T	0,185	0,242	0,230	0,231
UGT2B4	rs1845555	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B4	rs1966151	A	G	0,352	0,261	0,242	0,258
UGT2B4	rs72552707	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B7	rs12233719	G	T	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B7	rs28365062	A	G	0,199	0,169	0,225	0,202
UGT2B7	rs4348159	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT2B7	rs7438284	T	A	0,337	0,394	0,449	0,421
UGT2B7	rs7439366	C	T	0,337	0,388	0,449	0,418
UGT2B7	rs7662029	G	A	0,337	0,394	0,444	0,417
UGT2B7	rs7668258	C	T	0,337	0,394	0,444	0,417
UGT8	rs4148254	C	T	0,022	0,028	0,039	0,034
UGT8	rs4148255	A	G	0,022	0,022	0,011	0,016
UGT8	rs61733374	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
UGT8	rs6851610	G	A	0,084	0,033	0,011	0,025
VKORC1	rs11150606	T	C	0,081	0,076	0,059	0,067
VKORC1	rs11540137	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
VKORC1	rs13336384	G	A	0,034	0,023	0,000	0,011
VKORC1	rs13337470	G	T	0,006	0,011	0,000	0,004
VKORC1	rs17708472	G	A	0,107	0,172	0,208	0,187
VKORC1	rs17878544	T	C	0,225	0,100	0,067	0,092
VKORC1	rs17884850	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000

VKORC1	rs17884982	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
VKORC1	rs17886199	A	G	0,023	0,006	0,011	0,010
VKORC1	rs2359612	G	A	0,326	0,455	0,369	0,397
VKORC1	rs2884737	A	C	0,090	0,239	0,253	0,235
VKORC1	rs28940302	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
VKORC1	rs28940303	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
VKORC1	rs28940304	T	0	0,000	0,000	0,000	0,000
VKORC1	rs28940305	A	0	0,000	0,000	0,000	0,000
VKORC1	rs7200749	G	A	0,090	0,039	0,017	0,031
VKORC1	rs72547528	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
VKORC1	rs72547529	C	T	0,000	0,006	0,000	0,002
VKORC1	rs7294	C	T	0,365	0,281	0,320	0,310
VKORC1	rs8050894	C	G	0,393	0,456	0,433	0,438
VKORC1	rs9923231	C	T	0,258	0,394	0,382	0,377
VKORC1	rs9934438	G	A	0,258	0,394	0,382	0,377
XDH	rs1042036	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
XDH	rs1884725	G	A	0,191	0,270	0,225	0,238
XDH	rs207440	C	T	0,028	0,039	0,028	0,032
XDH	rs2295474	C	0	0,000	0,000	0,000	0,000
XDH	rs2295475	G	A	0,129	0,250	0,225	0,226
XDH	rs4407290	G	A	0,011	0,050	0,056	0,050
XDH	rs566362	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000
XDH	rs669884	G	0	0,000	0,000	0,000	0,000

* 0 indica locus monomórfico

** Frequências ponderadas para a região SE, com base nos dados do Censo Brasileiro de 2010